

Dane pacjenta: Imię i nazwisko, PESEL, data pobrania materiału, **numer i data wydania sprawozdania**
Nazwa i adres jednostki wykonującej badanie

Wynik prawidłowy/nieprawidłowy/niejednoznaczny (*wymóg rozporządzenia*)

- Nie wykryto/Wykryto warianty o znaczeniu diagnostycznym: (wymienić warianty, które mają wpływ na klasyfikację białaczki do danego typu wg ICC2022 lub WHO2022 lub mogą pomóc w reklasyfikacji nowotworu o niepewnym charakterze)
- Wynik badania potwierdza....
- Nie wykryto/Wykryto warianty o znaczeniu predykcyjnym: (wymienić warianty, dla których może potencjalnie być stosowana terapia celowana)
- Nie wykryto/Wykryto warianty o znaczeniu prognostycznym: (wymienić warianty, które mają wpływ na prognozę wg ICC2022 lub WHO2022)
- Nie wykryto/Wykryto warianty o możliwym pochodzeniu germinalnym: (wymienić warianty)

Uwagi:

Warianty mogą być efektem hematopoezy o nieznanym znaczeniu (**CHIP**):
klasyfikacja prognostyczna wariantów jest modyfikowana przez kryteria cytogenetyczne i immunofenotypowe i jest dokonywana na podstawie całościowej oceny klinicznej przez lekarza prowadzącego.

ZALECENIA: (przykłady)

- Wymagana konsultacja z lekarzem hematologiem / hematoonkologiem /onkologiem.
- W przypadku wykrycia wariantu o potencjalnym znaczeniu germinalnym wymagana konsultacja z genetykiem klinicznym.
- Wskazane potwierdzenie wyniku z drugiego, niezależnego pobrania materiału.
- Wskazane ustalenie pochodzenia zmiany (germinalna (wrodzona)/somatyczna (nabyta), w tym celu należy zgłosić się do Poradni Hematologicznej/Onkologicznej/Genetycznej ze skierowaniem.

UWAGI:

Np. Dla pacjenta wykonano badanie z innego materiału/innej tkanki/wykonano badanie u krewnych – rodowód numer..... (np. powiązania z innymi badaniami)

Następna strona

[SEKCJA INFORMACJE O METODZIE]

Parametry danego badania: np. głębokość sekwencjonowania minimum 500x dla 90% sekwencji

Czułość 98%, specyficzność 98%, swoistość: 98%

Metodyka badania: Badanie wykonano wg procedury nr. z dnia... na aparacie... według instrukcji producenta zestawu NAZWA....

Badane geny: gen1, gen2, gen3, gen4 lub odwołanie do listy online/ulotki itp. (jeśli zbyt wiele by wypisać)

Ograniczenia metody: Badanie nie wyklucza.... LOD: badanie wykrywa jeśli.....

Warianty łagodne i potencjalnie łagodne nie są raportowane. Klasyfikacja wariantów według AMP (Li MM i in. J Mol Diagn 2017, 19: 4e23), baza Clinvar z dnia wydania wyniku.

VUS: Laboratorium nie raportuje wariantów o niepewnym znaczeniu (VUS) (jeśli nie raportuje)

Literatura: do przypadku

[SEKCJA DODATKOWE INFORMACJE] inne

Numer produktu rozliczeniowego (nieobowiązkowe): ICD-9 (jeśli będzie)

Laboratorium uczestniczy w europejskim programie badania biegłości dla.....

wykonał badanie	dokonał przeglądu (dla ISO 15189)	autoryzował imię, nazwisko, PWZDL tyt. zawodowy (w przypadku MGM: nr dyplomu), specjalizacja
-----------------	--------------------------------------	---

Koniec dokumentu